

## Protocolo envío de muestras nodo de Santiago

<b>Servicio genotipado Affymetrix Mapping Arrays 100K, 500K, 5.0, 6.0</b>	
<b>Formato de envío muestras de ADN</b>	<p><b>Placas de 96 pocillos*</b> Placas recomendadas: Applied Biosystems (PN 4306737) o Eppendorf twin tec. PCR plate 96 skirted (ref. 0030 128.672) selladas con films o tiras de tapones y congeladas a ser posible**</p> <p><b>ATTN:</b> Los pocillos G12 y H12 <u>no deben</u> contener ninguna muestra.</p>
<b>Estado de ADN</b>	<p><b>ADN doble cadena</b> (no son válidos métodos de extracción de ADN que incluyan algún paso de ebullición o desnaturalizantes fuertes)</p> <p><b>Resuspendido en TE EDTA reducido</b> (10mM Tris pH 8.0, 0.1mM EDTA pH8.0) o <b>agua</b>.</p>
<b>Cantidad / concentración de ADN mínima requerida en cualquier envío</b>	<p>Volumen mínimo <b>20 ul</b> ***</p> <p>Concentración <b>50 ng /ul</b></p>
<b>Persona de contacto</b>	<p><b>Inés Quintela</b>  <a href="mailto:ines.quintela@usc.es">ines.quintela@usc.es</a>            Tel. (+34) 981 951 490            Fax. (+34) 981 951 473</p>
<b>Plantilla información de muestras</b>	<p>Hoja <b>Excel</b> proporcionada por el servicio y que el usuario debe rellenar.</p> <p>Los códigos de identificación de muestra no deben contener caracteres extraños como espacios, "/", "-", puntos , etc.</p>
<b>Dirección de entrega</b>	<p>Centro Nacional de Genotipado (Nodo Santiago)            Unidad de Medicina Molecular            Hospital Clínico Universitario            Edificio de consultas, planta -2            c/ Choupana s/n            15706 Santiago de Compostela (Spain)</p>

\* En caso de no utilizar las placas recomendadas hay que **enviar siempre una placa vacía** para su calibración. Usar placas con pocillos de fondo en "V", nunca pocillos de fondo redondeado.

\*\* Es responsabilidad del cliente asegurarse de que las placas estén bien selladas para evitar contaminación de muestras y evaporaciones. Se recomienda tener especial cuidado cuando se utilizan films adhesivos. En caso de recepción incorrecta de las muestra el nodo lo notificará de inmediato al usuario.

\*\*\* Si tras el genotipado sobrara ADN, éste sería devuelto al usuario.