

Protocolo envío de muestras nodo de Santiago

Servicio genotipado Affymetrix Mapping Arrays 10K, 250K	
Formato de envío muestras de ADN	<p>Placas de 96 pocillos* Placas recomendadas: Applied Biosystems (PN 4306737) o Eppendorf twin tec. PCR plate 96 skirted (ref. 0030 128.672) selladas con films o tiras de tapones y congeladas a ser posible**</p> <p>ATTN: Los pocillos G12 y H12 <u>no deben</u> contener ninguna muestra.</p>
Estado de ADN	<p>ADN doble cadena (no son válidos métodos de extracción de ADN que incluyan algún paso de ebullición o desnaturalizantes fuertes)</p> <p>Resuspendido en TE EDTA reducido (10mM Tris pH 8.0, 0.1mM EDTA pH8.0) o agua.</p>
Cantidad / concentración de ADN mínima requerida en cualquier envío	<p>Volumen mínimo 15 ul ***</p> <p>Concentración 50 ng /ul</p>
Persona de contacto	<p>Inés Quintela ines.quintela@usc.es Tel. (+34) 981 951 490 Fax. (+34) 981 951 473</p>
Plantilla información de muestras	<p>Hoja Excel proporcionada por el servicio y que el usuario debe rellenar.</p> <p>Los códigos de identificación de muestra no deben contener caracteres extraños como espacios, "/", "-", puntos , etc.</p>
Dirección de entrega	<p>Centro Nacional de Genotipado (Nodo Santiago) Unidad de Medicina Molecular Hospital Clínico Universitario Edificio de consultas, planta -2 c/ Choupana s/n 15706 Santiago de Compostela (Spain)</p>

* En caso de no utilizar las placas recomendadas hay que **enviar siempre una placa vacía** para su calibración. Usar placas con pocillos de fondo en "V", nunca pocillos de fondo redondeado.

** Es responsabilidad del cliente asegurarse de que las placas estén bien selladas para evitar contaminación de muestras y evaporaciones. Se recomienda tener especial cuidado cuando se utilizan films adhesivos. En caso de recepción incorrecta de la muestra el nodo lo notificará de inmediato al usuario.

*** Si tras el genotipado sobrara ADN, éste sería devuelto al usuario.