

Protocolo envío de muestras nodo de Barcelona

Servicio de Genotipado Illumina: para Veracode GoldenGate	
Formato de envío muestras de DNA	<p>Placas 96 pocillos* <i>Placas recomendadas: Microseal 96-Well Skirted Polypropylene Microplates (P/N:MSP-9601 de BioRad o AB0800 de ABgene)</i> Termo-selladas y congeladas a ser posible.**</p> <p>ATTN: Los pocillos de la primera placa: F11, G11, H11, A12, B12, C12, D12, E12, F12, G12 y H12 no deben contener ninguna muestra. Los pocillos de resto de placas: E12, F12, G12 y H12 no deben contener ninguna muestra.</p>
Estado de DNA	Resuspendido (TE 1x)
Volumen / concentración de ADN mínima requerida en cualquier envío	<p>Volumen mínimo 15ul*** (Sirve para genotipar 1 OPA o pool. El volumen adicional para cada OPA es de 5ul).</p> <p>Concentración mínima 50 ng/ul (DNA cuantificado mediante técnica fluorimétrica "Picogreen").</p> <p>Concentración mínima 100 ng/ul (DNA cuantificado por el usuario mediante la lectura de ODs con espectrofotómetro y que por tanto necesita ser re-cuantificado mediante técnicas fluorimétrica "Picogreen").</p>
Persona de contacto	<p>Magda Montfort magda.montfort@crg.es Tel. (+34) 93 316 01 29 Fax. (+34) 93 316 00 99</p>
Plantilla de las muestras	Hoja Excel proporcionada por el servicio y que el usuario debe rellenar. Los códigos de identificación de muestra no deben contener caracteres extraños como espacios, "/", "-", puntos, etc. Máximo de 15 caracteres.
Dirección de entrega	<p>Centro Nacional de Genotipado (Nodo Barcelona) Centro de Regulación Genómica (CRG) Unitat de Genotipació Programa Gens i Malalties C/ Dr. Aiguader, 88 08003 Barcelona</p>

*En caso de no utilizar las placas recomendadas hay que **enviar siempre una placa vacía** para su calibración. Usar placas con pocillos de fondo en "V", nunca pocillos de fondo redondeado.

** Es responsabilidad del cliente asegurarse de que las placas estén bien selladas para evitar contaminación de muestras y evaporaciones. Se recomienda tener especial cuidado cuando se utilizan films adhesivos. En caso de recepción incorrecta de las muestra el nodo lo notificará de inmediato al usuario.

*** Si tras el genotipado sobra DNA, éste sería devuelto al usuario.